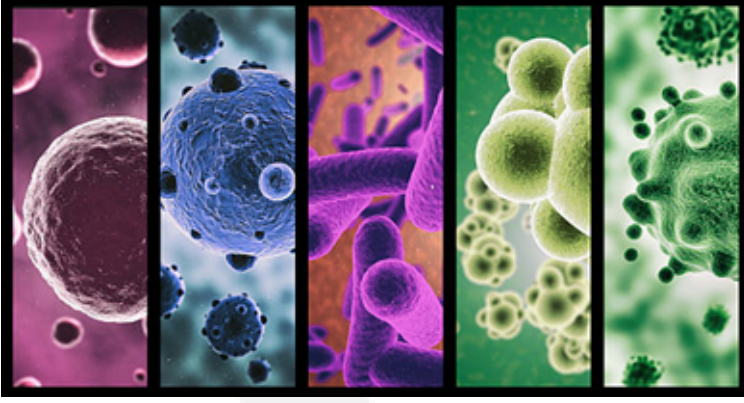


# Mikrobiyal Tüm Genom Dizilemeye Bakış



Mikrobiyal Tüm Genom Dizileme, ilgili mikrobiyal genomları dizilemenin yanı sıra çoklu referans genomlarını yeni organizmaların haritalanmış genomlarıyla karşılaştırmak için kritik bir yaklaşımdır. Mikrobiyal genomların tamamının dizilenmesi, doğru referans genomların üretilmesi, mikrobiyal tanımlama ve diğer karşılaştırmalı genomik çalışmalar için önemlidir.

**PCR gibi geleneksel yaklaşımlarla karşılaştırıldığında, Tüm Genom Dizileme, zaman ve maliyet gerektiren klonlama ve haritalama gibi ön çalışmaları gerektirmez. Ayrıca, bu yüksek verimli dizileme yaklaşımı, aynı anda çok sayıda örneğin dizilenmesine izin verir.**

## Mikrobiyal Tüm Genom Dizileme Özellikleri: DNA örneği gereksinimleri

Kütüphane Tipi	Örnek Tipi	Miktar (Qubit®)	Hacim	Konsantrasyon	Safılık
Mikrobiyal tüm genom kütüphanesi (350 bp)	Genomik DNA	≥ 200 ng	≥ 20 µL	≥ 10 ng/µL	A260/280=1.8-2.0;degradasyon yok.Kontaminasyon yok
Mikrobiyal tüm genom kütüphanesi (PCR olmadan-350 bp)	Genomik DNA	≥ 1.2µg	≥ 20 µL	≥ 10 ng/µL	

## Mikrobiyal Tüm Genom Dizileme Özellikleri: Dizileme Parametreleri ve Analiz İçerikleri

Platform Tipi	Illumina NovaSeq 6000
Okuma Uzunluğu	Paired-end 150 bp
Önerilen Dizileme Derinliği	Bakteriyel genom için : ≥ 100×
	Fungal genom için : ≥ 50×
Analiz İçeriği	<b>Standart Analiz</b> <ul style="list-style-type: none"><li>• Veri kalite kontrolü: adaptörleri içeren veya düşük kaliteli okumaları filtreleme</li><li>• Referans genom, dizileme derinliği istatistikleri ve kapsam ile hizalama</li><li>• SNP/InDel tespiti açıklama ve istatistikler</li><li>• CNV araması, açıklama ve istatistikler</li><li>• SV tespiti, ek açıklama ve istatistikler</li></ul>